BiomeOS

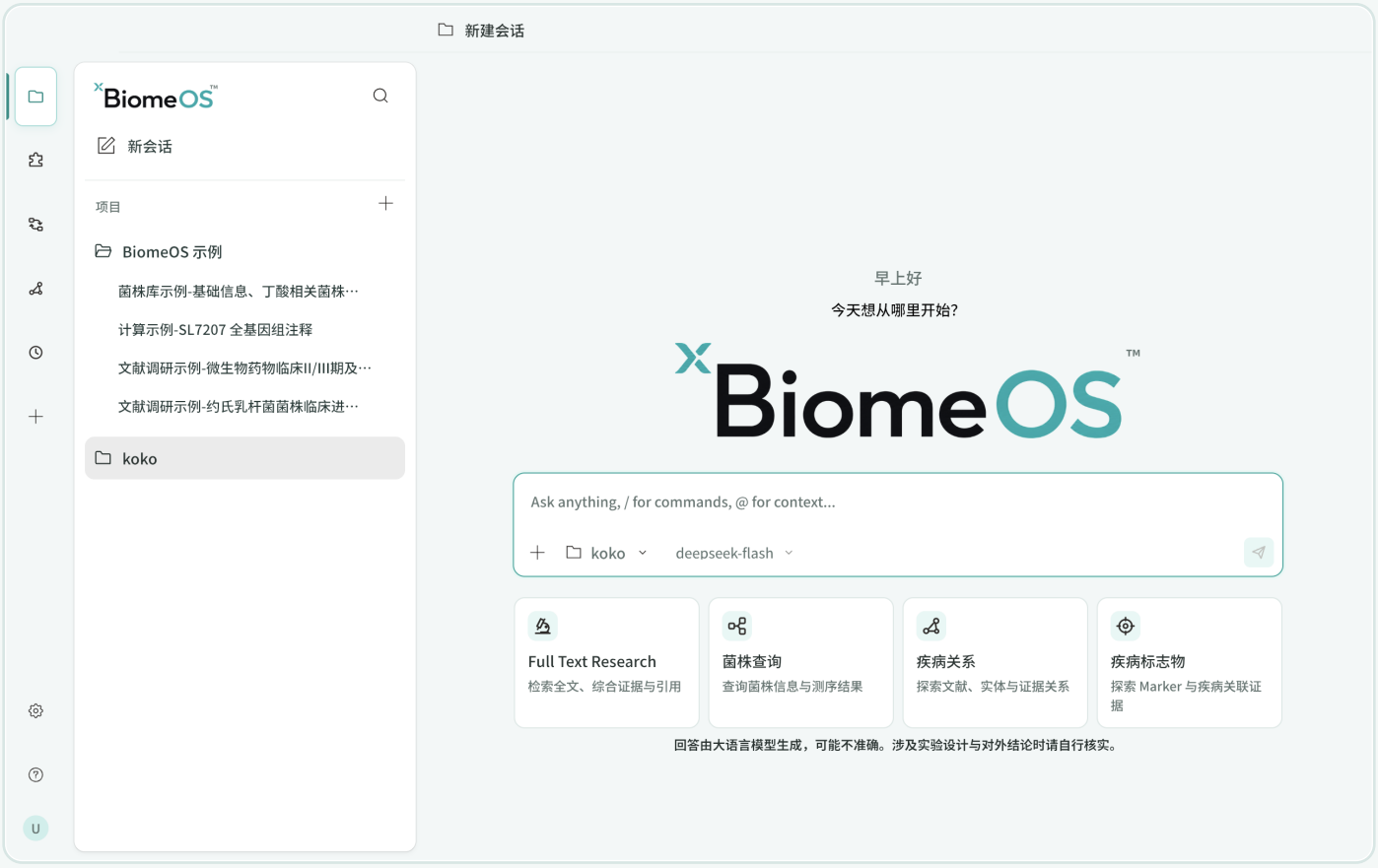
大版本更新

0.10.1.0

体验版发布说明

研究入口更集中，项目管理更顺手

基于新版内部版整理公开体验能力，保留原有 Logo 与青绿色视觉。 本次围绕研究功能、模型可用性和日常操作进行系统更新。



新版首页：四个研究入口与精简后的四条预置示例。

01 **核心能力升级** 统一知识图谱、技能卡片、内置与自定义模型并行支持。

02 **关键问题修复** 解决启动配置读取、模型网关校验及选模恢复问题。

03 **易用性与示例更新** 精简项目导航和设置，新增菌株库示例，计算示例保留一条。

重点升级 01

一个知识图谱入口，两种研究视图

Full Text Research 与菌株查询卡片可预填研究问题；疾病关系与疾病标志物卡片直达对应视图。

疾病关系

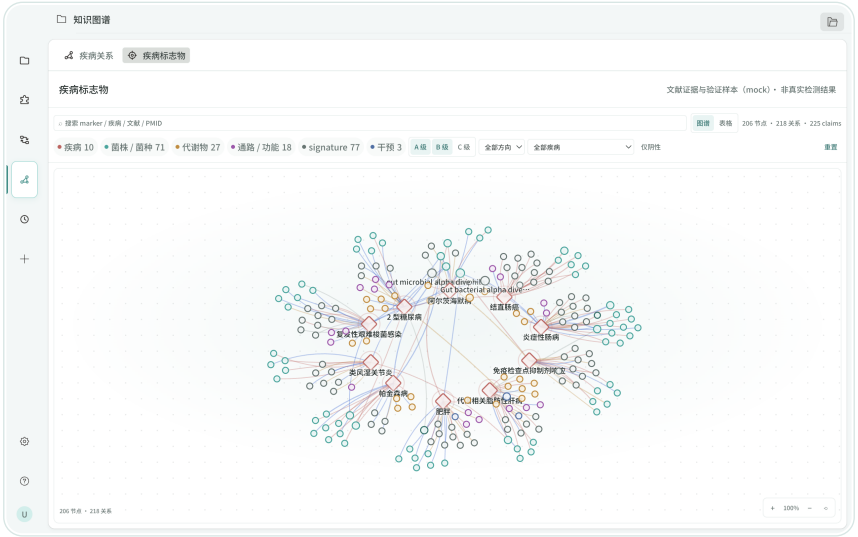
在实体与文献关系中探索关联，支持检索、筛选、节点详情和缩放。



知识图谱 · 疾病关系视图（真实界面截图）。

疾病标志物

整合原 Marker 图谱，保留图谱 / 表格切换、疾病筛选和证据详情。



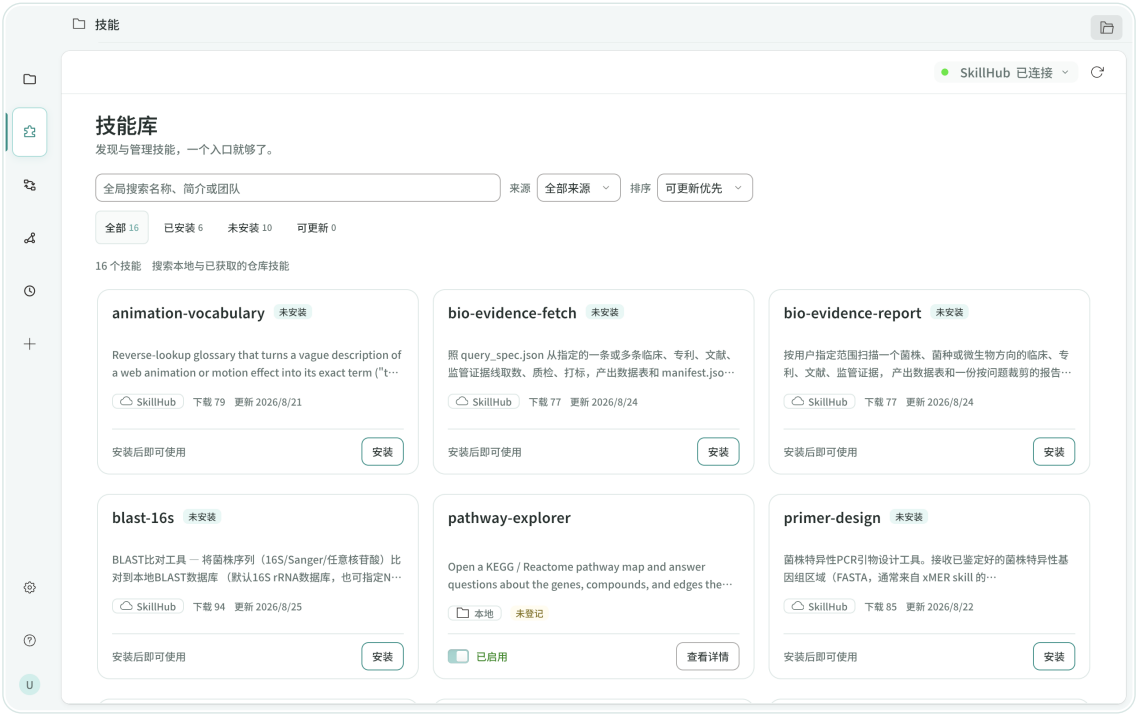
知识图谱 · 疾病标志物视图；原有来源与示例 / 模拟数据标识保留。

切换视图或离开后返回，可保留各自的检索、筛选、选中与缩放状态。

重点升级 02

技能发现与工作流操作更集中

同步内部版技能卡片优化，保留 SkillHub 连接及从模板创建工作流的能力。



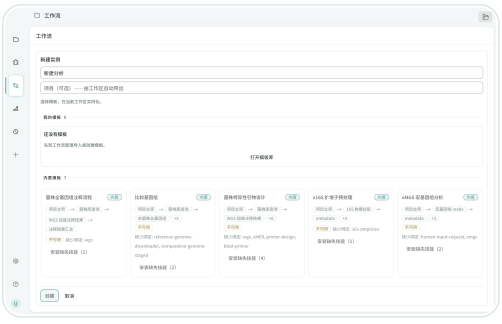
技能库：本地与 SkillHub 卡片统一展示；数量取决于当前连接及安装情况。

统一搜索与筛选

按名称、简介或团队搜索，按来源与安装状态筛选，并支持排序和查看详情。

直接管理技能

在卡片中查看来源和状态，进行安装、启停等操作；运行中的启停保护继续保留。



工作流模板入口。

从模板开始

从工作流页面选择模板，配置项目目录与输入，再进入运行流程。实际执行依赖对应计算服务和技能配置。

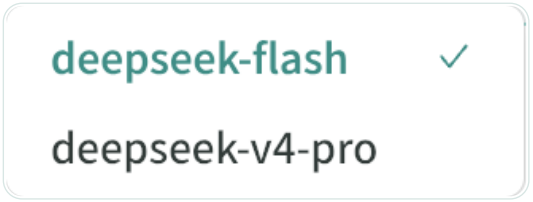
重点升级 03

内置模型与自定义模型同时支持

既可直接切换内置模型，也可使用自己的服务地址、API Key 与模型配置。

内置模型

默认使用 deepseek-flash，支持切换至 deepseek-v4-pro。
内置服务连接、Key 与额度继续由后台托管。



自定义模型

进入“设置 → 提供商”，新增基础 URL、API Key、模型 ID 与显示名称。保存后，自定义模型会出现在聊天输入区的模型切换菜单中。



自定义提供商配置。图中 URL 为示例地址，未填写真实密钥。

选择会保存到会话；同名模型按提供商区分。编辑已有连接时，不回显已保存的 API Key。

重要修复

优先解决启动、模型与状态问题

先修复影响应用使用的问题，再处理会话恢复和界面状态异常。

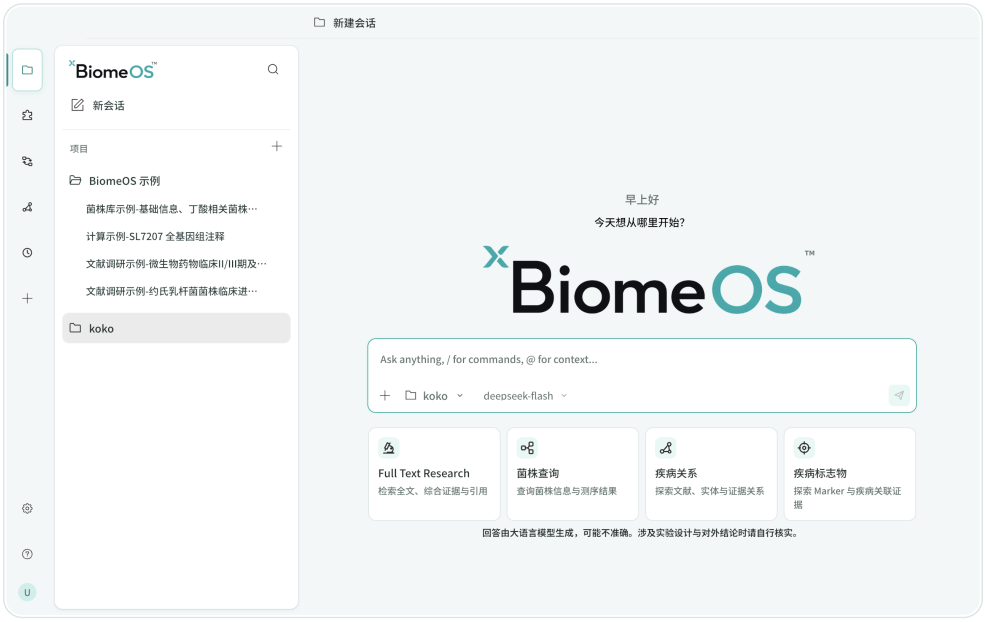
高影响 · 启动	**应用启动时提示找不到 profiles/ 目录** 调整配置读取时序，待主进程完成资源路径初始化后再读取，修复打包应用启动异常。
高影响 · 模型	**模型请求提示 model_gateway_untrusted** 统一体验网关与发送校验配置，避免合法体验服务地址被错误拦截。
会话状态	**重新打开会话后，已选模型被旧状态覆盖** 等待保存的模型选择加载完成后再恢复消息，保留已有会话的选择。
项目选中	**项目与子会话同时出现灰色选中背景** 打开会话时仅选中子会话；停留项目根节点或新会话时才选中项目行。
布局对齐	**顶栏标题偏离聊天窗口或功能页面** 标题跟随实际内容区域对齐，并对原生窗口按钮保留安全距离。
图谱交互	**隐藏视图响应 Esc，影响当前页面状态** 仅当前活动视图处理关闭行为，保留另一视图的详情、筛选等状态。
图谱布局	**视图切换区域高度与内边距不匹配** 修正切换区域尺寸，避免标签被压缩或裁切。

以上按用户影响程度归类；对应修复已完成代码与针对性回归验证。

体验优化

项目、对话与设置更清楚

保留原 Logo 和配色，将常用操作收拢到更简洁的布局中。



项目侧栏只保留“项目 → 对话”两层；菜单顺序为项目、技能、工作流、知识图谱。

导航与新会话

窄图标配合悬停提示，点击后整页切换。新会话可选择项目目录，也可直接从项目标题开启。

减少重复信息

移除顶部会话 Tab，仅保留当前标题。目录菜单只显示名称，完整路径通过悬停查看。

更明确的状态

搜索改为图标入口；默认展开示例项目，其余项目折叠。运行中会话以转圈图标提示。



设置采用左侧分类、右侧表单。

设置与更多功能

设置窗口支持滚动与圆角布局；“更多功能”菜单按内容收紧，减少空白。

示例更新

用四条示例快速了解能力

新增菌株库三轮问答示例，计算示例精简为一条完整流程。



菌株库示例：基础信息、丁酸相关菌株与组学分析结果路径查询。

默认预置示例

文献调研	约氏乳杆菌菌株临床进展整理
文献调研	微生物药物临床II/III期及上市调研
计算分析	SL7207 全基因组注释
菌株库	基础信息、丁酸相关菌株与组学结果查询

升级后需要了解

- 已有会话不自动删除，旧版本导入的其他计算示例可能仍保留。
- 菌株库示例来自 2026-10-30 的历史记录；遗传潜力不等于实际产量。
- 实时查询、模型推理及远程计算需要对应服务和权限；内部专属功能仍受限。

截图来自隔离开发验证环境，展示最终功能布局；实际数据、技能目录与服务可用性以部署为准。